



[Portada](#) | [Archivo](#) | [Búsqueda](#) | [Agenda](#) | [Enlaces](#) | [Créditos](#) | [Lista de Correo](#)

Entrevista a Chris Tyler-Smith, profesor de la Universidad de Oxford (Reino Unido)

Cristina Junyent

23/02/00

Biomedica (Barcelona). *No es fácil establecer diferencias claras entre las poblaciones humanas: "Los humanos no se dividen en grupos estancos de personas que no se mezclan", según el profesor Tyler-Smith, especialista en genética de poblaciones.*

¿Existe una uniformidad genética en las poblaciones humanas que pueda sugerir un origen común próximo para todos los humanos?

Digamos que si estudiamos solamente la variación genética de un único grupo de chimpancés encontraremos mucha más variación que en todas las poblaciones humanas, por tanto creo que esto revela que los humanos somos genéticamente similares los unos a los otros. Estas diferencias tan pequeñas sugieren, efectivamente, un origen común próximo en el tiempo.

Este origen próximo de los grupos humanos ¿sugiere además un origen africano?

Cierto, como todos los estudios que se han realizado hallan una variación mucho mayor en África que en ningún otro continente, la genética nos proporciona una de las piezas en la evidencia del origen africano de los humanos modernos. Aunque, como casi todo en la evolución humana es fuente de controversia, hay gente que ofrece explicaciones alternativas a este dato, como podría ser el hecho de que hubiera podido haber un mayor efecto de la dimensión de la población africana que simplemente por un tiempo de permanencia más largo, pero estos son detalles demasiado técnicos.

Entonces, todos nosotros somos el resultado de movimientos migratorios de grupos humanos que se han desplazado a lo largo de la historia de las poblaciones humanas, ¿no es cierto?

Sí, las especies más tempranas de humanos salieron de África hacia Asia hace uno o quizá dos millones de años; más recientemente, en los últimos cien mil años, ha vuelto a haber grandes desplazamientos desde África, y seguramente algunos de los grupos volvieron a África y volvieron a salir de nuevo; solamente estamos empezando a comprender los detalles de estos movimientos. Pero está claro que algunas regiones por las que los desplazamientos de los grupos humanos fueron fáciles, como podría ser la estepa que cruza Asia de este a oeste, los humanos se desplazaron de manera más o menos continua.

¿Ha habido diferencias en los movimientos migratorios de varones y mujeres? ¿No es cierto que la idea previa de que los hombres se movieron más que las mujeres parece ahora que no se sostiene?

Este es un punto interesante. Tendemos a pensar que los varones se han desplazado distancias mucho más largas, por guerras, por ejemplo, y que las mujeres han permanecido en casa; pero, este hecho no concuerda con la genética. El dato importante es la distancia entre el lugar de nacimiento de una persona y el lugar donde nacieron sus hijos, y lo que se encuentra en muchas sociedades tradicionales es que los hombres han tendido a permanecer en el pueblo de sus progenitores, mientras que las mujeres, las hijas, se desplazaron a otros pueblos; este es el dato que revela la genética, más que el desplazamiento de los varones por las guerras. Pero creo que volvemos a encontrar de nuevo una complicación al interpretar estos datos; tendemos a estudiar el DNA

mitocondrial para investigar la historia genética de las mujeres, y el cromosoma Y para investigar la historia genética de los varones, y es difícil estar seguro de cuántas de las diferencias entre la historia del DNA mitocondrial y el cromosoma Y reflejan las diferencias entre las diferentes historias entre mujeres y varones o cuánto reflejan solamente diferencias aleatorias; recordemos que de una generación a la otra solamente se heredan algunas secuencias, mientras que otras se extinguen. Pero, de nuevo, tal vez hayamos llegado a un punto demasiado técnico.

Entonces, por todos estos datos que nos da, ¿podríamos decir que tienen algún sentido las diferencias genéticas entre los grupos?

Bien, la idea de qué es una población es algo que encuentro difícil de comprender; es muy fácil para un biólogo molecular estudiar linajes, como el linaje del DNA mitocondrial o el linaje del cromosoma Y, y por ellos se puede estudiar su historia de una manera bastante rigurosa; pero la idea de una población y de la historia de una población es un concepto que encuentro difícil de imaginar, porque los humanos no se dividen en grupos distintos de personas que no se mezclan. Si imaginamos diferentes especies de animales que no se entrecruzan, entonces podemos preguntarnos por la historia de la especie, algo que tiene un sentido. Pero si hablas de poblaciones humanas donde ha habido y hay migraciones y entrecruzamientos, entonces aquellos que forman hoy una población, pongamos por ejemplo los habitantes de Barcelona, no forman necesariamente una población común en absoluto, y si se pudieran seguir atrás en el tiempo, digamos unos diez mil años, los linajes de cada uno de ellos, entonces podríamos encontrar que se originaron en muy distintos lugares, ninguno necesariamente cercano a Barcelona. - *Cristina Junyent es doctora en biología*

[Arriba](#)

[Portada](#)



[Archivo](#) | [Búsqueda](#) | [Agenda](#) | [Enlaces](#) | [Créditos](#) | [Lista de Correo](#)

(C) BIOMEDIA es una publicación del OCC (UPF) y RUBES EDITORIAL